

DATOS RELATIVOS A LOS RESULTADOS DE INVESTIGACIÓN DERIVADOS DE LAS TESIS DOCTORALES LEÍDAS EN EL PROGRAMA DE DOCTORADO

14	Título de la tesis	<i>Staphylococcus</i> spp.in animals intended for human consumption, food and humans in Spain and Senegal: genetic lineages, antibioresistance and virulence.
	Doctorando/a	Mama, Olouwafemi Mistourath
	Director/a/es/as	Torres Manrique, Carmen (UR)
	Fecha defensa	20/01/2020
	Otros datos	Mención de Doctorado Internacional
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva
14.1	Mama OM, Gómez-Sanz E, Ruiz-Ripa L, Gómez P, Torres C. Diversity of staphylococcal species in food producing animals in Spain, with detection of PVL-positive MRSA ST8 (USA300). <i>Vet Microbiol.</i> 2019; 233:5-10. doi: 10.1016/j.vetmic.2019.04.013.	Factor de impacto en JCR (2019): 3.030 Posición en el área: 7/142 (D1) Área: Veterinary Sciences
14.2	Mama OM, Dieng M, Hanne B, Ruiz-Ripa L, Diop CGM, Torres C. Genetic characterisation of staphylococci of food-producing animals in Senegal. PVL detection among MSSA. <i>BMC Vet Res.</i> 2019; 15(1):391. doi: 10.1186/s12917-019-2137-9.	Factor de impacto en JCR (2019): 1.835 Posición en el área: 32/142 (Q1) Área: Veterinary Sciences
14.3	Mama OM, Ruiz-Ripa L, Fernández-Fernández R, González-Barrio D, Ruiz-Fons JF, Torres C. High frequency of coagulase-positive staphylococci carriage in healthy wild boar with detection of MRSA of lineage ST398-t011. <i>FEMS Microbiol Lett.</i> 2019; 366(4): fny292. doi: 10.1093/femsle/fny292.	Factor de impacto en JCR (2019): 1.987 Posición en el área: 98/135 (Q3) Área: Microbiology
14.4	Mama OM, Gómez P, Ruiz-Ripa L, Gómez-Sanz E, Zarazaga M, Torres C. Antimicrobial Resistance, Virulence, and Genetic Lineages of Staphylococci from Horses Destined for Human Consumption: High Detection of <i>S. aureus</i> Isolates of Lineage ST1640 and Those Carrying the <i>lukPQ</i> Gene. <i>Animals (Basel).</i> 2019; 9(11):900. doi: 10.3390/ani9110900.	Factor de impacto en JCR (2019): 2.323 Posición en el área: 14/142 (D1) Área: Veterinary Sciences
14.5	Mama OM, Morales L, Ruiz-Ripa L, Zarazaga M, Torres C. High prevalence of multidrug resistant <i>S. aureus</i> -CC398 and frequent detection of enterotoxin genes among non-CC398 <i>S. aureus</i> from pig-derived food in Spain. <i>Int J Food Microbiol.</i> 2020; 320:108510. doi: 10.1016/j.ijfoodmicro.2020.108510.	Factor de impacto en JCR (2019): 4.187 Posición en el área: 23/139 (Q1) Área: Food Science & Technology
14.6	Aspiroz C, Mama OM, Martínez-Álvarez RM, Ruiz-Ripa L, Ceballos S, Torres C. Penicillin-susceptible <i>Staphylococcus aureus</i> bacteremia: Epidemiological and clinical relevance. Possible therapeutic implications. <i>Enferm Infecc Microbiol Clin.</i> 2020; S0213-005X (19)30328-3. doi: 10.1016/j.eimc.2019.12.003.	Factor de impacto en JCR (2019): 1.654 Posición en el área: 112/135 (Q4) Área: Microbiology
14.7	Mama OM, Aspiroz C, Ruiz-Ripa L, Torres C. Relevance of clonal complex CC398 in bacteremia caused by <i>Staphylococcus aureus</i> in a secondary hospital of Aragon, Spain. <i>Enferm Infecc Microbiol Clin.</i> 2020; 38(8):394-395. doi: 10.1016/j.eimc.2019.12.007.	Factor de impacto en JCR (2019): 1.654 Posición en el área: 112/135 (Q4) Área: Microbiology
14.8	Mama OM, Aspiroz C, Ruiz-Ripa L, Ceballos S, Iñiguez M, Cercenado E, Azcona JM, López-Cerero L, Seral C, López-Calleja AI, Belles-Belles A, Berdonces P, Siller M, Zarazaga M, Torres C. Prevalence and genetic characteristics of <i>Staphylococcus aureus</i> CC398 isolates from invasive infections in Spanish hospitals, focusing on the livestock-independent MSSA-CC398 clade. <i>Front Microbiol.</i> 2021, doi: 10.3389/fmicb.2021.623108	Factor de impacto en JCR (2019): 4,236 Posición en el área: 34/136 (Q1) Área: Microbiology

13	Título de la tesis	Epidemiología molecular de <i>Escherichia coli</i> procedente de fauna salvaje: resistencia antimicrobiana, virulencia y diversidad genética. Molecular epidemiology of <i>Escherichia coli</i> from wildlife: antimicrobial resistance, virulence and genetic diversity.
	Doctorando/a	Alonso Arribas, Carla Andrea
	Director/ales/as	Torres Manrique, Carmen (UR)
	Fecha defensa	22/03/2019
	Otros datos	Mención de Doctorado Internacional Premio Real Academia de Doctores de España 2019, en la categoría Ciencias de la Vida y la Salud
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva
13.1	Alonso CA, González-Barrio D, Tenorio C, Ruiz-Fons F, Torres C. Antimicrobial resistance in faecal <i>Escherichia coli</i> isolates from farmed red deer and wild small mammals. Detection of a multiresistant <i>E. coli</i> producing extended-spectrum beta-lactamase. <i>Comp Immunol Microbiol Infect Dis.</i> 2016; 45:34-9. doi: 10.1016/j.cimid.2016.02.003.	Factor de impacto en JCR (2016): 1.875 Posición en el área: 18/136 (Q1) Área: Veterinary Sciences
13.2	Alonso CA, González-Barrio D, Ruiz-Fons F, Ruiz-Ripa L, Torres C. High frequency of B2 phylogroup among non-clonally related fecal <i>Escherichia coli</i> isolates from wild boars, including the lineage ST131. <i>FEMS Microbiol Ecol.</i> 2017; 93(3). doi: 10.1093/femsec/fix016. PMID: 28365752.	Factor de impacto en JCR (2017): 3.495 Posición en el área: 42/126 (Q2) Área: Microbiology
13.3	Alcalá L, Alonso CA, Simón C, González-Esteban C, Orós J, Rezusta A, Ortega C, Torres C. Wild Birds, Frequent Carriers of Extended-Spectrum β -Lactamase (ESBL) Producing <i>Escherichia coli</i> of CTX-M and SHV-12 Types. <i>Microb Ecol.</i> 2016; 72(4):861-869. doi: 10.1007/s00248-015-0718-0.	Factor de impacto en JCR (2016): 3.630 Posición en el área: 37/153 (Q1) Área: Ecology
13.4	Alonso CA, Alcalá L, Simón C, Torres C. Novel sequence types of extended-spectrum and acquired AmpC beta-lactamase producing <i>Escherichia coli</i> and <i>Escherichia</i> clade V isolated from wild mammals. <i>FEMS Microbiol Ecol.</i> 2017; 1;93(8). doi: 10.1093/femsec/fix097.	Factor de impacto en JCR (2017): 3.495 Posición en el área: 42/126 (Q2) Área: Microbiology
13.5	Alonso CA, Michael GB, Li J, Somalo S, Simón C, Wang Y, Kaspar H, Kadlec K, Torres C, Schwarz S. Analysis of <i>bla</i> SHV-12-carrying <i>Escherichia coli</i> clones and plasmids from human, animal and food sources. <i>J Antimicrob Chemother.</i> 2017; 1;72(6):1589-1596. doi: 10.1093/jac/dkx024.	Factor de impacto en JCR (2017): 5.217 Posición en el área: 19/261 (D1) Área: Pharmacology & Pharmacy
13.6	Alonso CA, Cortés-Cortés G, Maamar E, Massó M, Rocha-Gracia RDC, Torres C, Centrón D, Quiroga MP. Molecular diversity and conjugal transferability of class 2 integrons among <i>Escherichia coli</i> isolates from food, animal and human sources. <i>Int J Antimicrob Agents.</i> 2018; 51(6):905-911. doi: 10.1016/j.ijantimicag.2018.02.001.	Factor de impacto en JCR (2018): 4.615 Posición en el área: 32/267 (Q1) Área: Pharmacology & Pharmacy
13.7	Alonso CA, Mora A, Díaz D, Blanco M, González-Barrio D, Ruiz-Fons F, Simón C, Blanco J, Torres C. Occurrence and characterization of <i>stx</i> and/or <i>eae</i> -positive <i>Escherichia coli</i> isolated from wildlife, including a typical EPEC strain from a wild boar. <i>Vet Microbiol.</i> 2017; 207:69-73. doi: 10.1016/j.vetmic.2017.05.028.	Factor de impacto en JCR (2017): 2.525 Posición en el área: 8/140 (D1) Área: Veterinary Sciences
13.8	Alonso CA, Zarazaga M, Ben Sallem R, Jouini A, Ben Slama K, Torres C. Antibiotic resistance in <i>Escherichia coli</i> in husbandry animals: the African perspective. <i>Lett Appl Microbiol.</i> 2017; 64(5):318-334. doi: 10.1111/lam.12724.	Factor de impacto en JCR (2017): 1.471 Posición en el área: 118/161 (Q3) Área: Biotechnology & Applied Microbiology

12	Título de la tesis	<i>Staphylococcus aureus</i> en animales de vida libre y medioambiente. Resistencia a antimicrobianos, virulencia, líneas genéticas circulantes y genómica comparativa. <i>Staphylococcus aureus</i> in free-living animals and environment. Resistance to antimicrobials, virulence, circulating genetic lineages, and comparative genomics.
	Doctorando/a	Gómez Villaescusa, Paula
	Director/a/es/as	Torres Manrique, Carmen (UR) y Zarazaga Chamorro, Myriam (UR)
	Fecha defensa	29/03/2019
	Otros datos	Mención de Doctorado Internacional
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva
12.1	Gómez P, González-Barrio D, Benito D, García JT, Viñuela J, Zarazaga M, Ruiz-Fons F, Torres C. Detection of methicillin-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> (MRSA) carrying the <i>mecC</i> gene in wild small mammals in Spain. J Antimicrob Chemother. 2014; 69(8):2061-4. doi: 10.1093/jac/dku100.	Factor de impacto en JCR (2014): 5,313 Posición en el área: 17/255 (D1) Área: Pharmacology & Pharmacy
12.2	Gómez P, Lozano C, González-Barrio D, Zarazaga M, Ruiz-Fons F, Torres C. High prevalence of methicillin-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> (MRSA) carrying the <i>mecC</i> gene in a semi-extensive red deer (<i>Cervus elaphus hispanicus</i>) farm in Southern Spain. Vet Microbiol. 2015; 12;177(3-4):326-31. doi: 10.1016/j.vetmic.2015.03.029.	Factor de impacto en JCR (2015): 2,564 Posición en el área: 7/138 (D1) Área: Veterinary Sciences
12.3	Gómez P, Lozano C, Camacho MC, Lima-Barbero JF, Hernández JM, Zarazaga M, Höfle Ú, Torres C. Detection of MRSA ST3061-t843- <i>mecC</i> and ST398-t011- <i>mecA</i> in white stork nestlings exposed to human residues. J Antimicrob Chemother. 2016; 71(1):53-7. doi: 10.1093/jac/dkv314..	Factor de impacto en JCR (2016): 5,071 Posición en el área: 23/257 (D1) Área: Pharmacology & Pharmacy
12.4	Gómez P, Lozano C, Benito D, Estepa V, Tenorio C, Zarazaga M, Torres C. Characterization of staphylococci in urban wastewater treatment plants in Spain, with detection of methicillin resistant <i>Staphylococcus aureus</i> ST398. Environ Pollut. 2016; 212:71-76. doi: 10.1016/j.envpol.2016.01.038.	Factor de impacto en JCR (2016): 5,099 Posición en el área: 20/229 (D1) Área: Environmental Sciences
12.5	Gómez P, Casado C, Sáenz Y, Ruiz-Ripa L, Estepa V, Zarazaga M, Torres C. Diversity of species and antimicrobial resistance determinants of staphylococci in superficial waters in Spain. FEMS Microbiol Ecol. 2017; 93(1):fiw208. doi: 10.1093/femsec/fiw208.	Factor de impacto en JCR (2017): 3,495 Posición en el área: 42/126 (Q2) Área: Microbiology
12.6	Gómez P, Aspiroz C, Hadjirin NF, Benito D, Zarazaga M, Torres C, Holmes MA. Simultaneous Nasal Carriage by Methicillin-Resistant and Methicillin Susceptible <i>Staphylococcus aureus</i> of Lineage ST398 in a Live Pig Transporter. Pathogens. 2020; 9(5):401. doi: 10.3390/pathogens9050401.	Factor de impacto en JCR (2019): 3,018 Posición en el área: 65/135 (Q2) Área: Microbiology
12.7	Zarazaga, M; Gómez, P; Ceballos, S; Torres, C. Molecular epidemiology of <i>Staphylococcus aureus</i> lineages in the animal-human interface, In the book <i>Staphylococcus aureus</i> . Ed. Elsevier B.V, 2018 pp: 189-214, ISBN 978-0-12-809671-0	Capítulo libro internacional

11	Título de la tesis	Cepas clínicas de SARM de líneas genéticas asociadas a animales: epidemiología, genómica, proteómica y nuevos antimicrobianos. Clinical MRSA strains from animal-associated genetic lineages; epidemiology, genomics, proteomics, and new antimicrobials.
	Doctorando/a	Ceballos Marcaida, Sara
	Director/ales/as	Torres Manrique, Carmen (UR) y Zarazaga Chamorro, Myriam (UR)
	Fecha defensa	21/03/2019
	Otros datos	Mención de Doctorado Internacional
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva
11.1	Ceballos S, Aspiroz C, Ruiz-Ripa L, Reynaga E, Azcona-Gutiérrez JM, Rezusta A, Seral C, Antoñanzas F, Torres L, López C, López-Cerero L, Cercenado E, Zarazaga M, Torres C; Study Group of clinical LA-MRSA. Epidemiology of MRSA CC398 in hospitals located in Spanish regions with different pig-farming densities: a multicentre study. J Antimicrob Chemother. 2019; 74(8):2157-2161. doi: 10.1093/jac/dkz180.	Factor de impacto en JCR (2019): 5.439 Posición en el área: 22/270 (D1) Área: Pharmacology & Pharmacy
11.2	Ceballos S, Aspiroz C, Ruiz-Ripa L, Azcona-Gutierrez JM, López-Cerero L, López-Calleja AI, Álvarez L, Gomáriz M, Fernández M, Torres C; Study Group of Clinical LA-MRSA. Multicenter study of clinical non- β -lactam-antibiotic susceptible MRSA strains: Genetic lineages and Panton-Valentine leukocidin (PVL) production. Enferm Infecc Microbiol Clin. 2019; 37(8):509-513. doi: 10.1016/j.eimc.2019.01.015.	Factor de impacto en JCR (2019): 1.654 Posición en el área: 112/135 (Q4) Área: Microbiology
11.3	Ceballos S, Kim C, Ding D, Mobashery S, Chang M, Torres C. Activities of Oxadiazole Antibacterials against <i>Staphylococcus aureus</i> and Other Gram-Positive Bacteria. Antimicrob Agents Chemother. 2018; 62(8):e00453-18. doi: 10.1128/AAC.00453-18.	Factor de impacto en JCR (2018): 4.715 Posición en el área: 27/267 (Q1) Área: Pharmacology & Pharmacy
11.4	Ceballos S, Aspiroz C, Ruiz-Ripa L, Zarazaga M, Torres C; Spanish study group on clinical LA-MRSA. Antimicrobial resistance phenotypes and genotypes of methicillin-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> CC398 isolates from Spanish hospitals. Int J Antimicrob Agents. 2020; 55(4):105907. doi: 10.1016/j.ijantimicag.2020.105907.	Factor de impacto en JCR (2019): 4.621 Posición en el área: 31/135 (Q1) Área: Microbiology
11.5	Ceballos S, Kim C, Qian Y, Mobashery S, Chang M, Torres C. Susceptibility of Methicillin-Resistant <i>Staphylococcus aureus</i> to Five Quinazolinone Antibacterials. Antimicrob Agents Chemother. 2019; 64(1):e01344-19. doi: 10.1128/AAC.01344-19.	Factor de impacto en JCR (2019): 4.904 Posición en el área: 28/270 (Q1) Área: Pharmacology & Pharmacy
11.6	Zarazaga, M; Gómez, P; Ceballos, S; Torres, C. Molecular epidemiology of <i>Staphylococcus aureus</i> lineages in the animal-human interface, In the book <i>Staphylococcus aureus</i> . Ed. Elsevier B.V, 2018 pp: 189-214, ISBN 978-0-12-809671-0	Capítulo libro internacional

10	Título de la tesis	Características fisiológicas de <i>Saccharomyces cerevisiae</i> y especies de levaduras enológicas alternativas en relación con la reducción del contenido alcohólico del vino. Physiological features of <i>Saccharomyces cerevisiae</i> and alternative wine yeast species in relation to alcohol level reduction in wine
	Doctorando/a	Sousa Rodrigues, Alda João
	Director/ales/as	González García, Ramón (ICVV) y Morales Calvo, María Pilar (ICVV)
	Fecha defensa	26/02/2019
	Otros datos	Mención de Doctorado Internacional
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva
10.1	Rodrigues, A.J.; Raimbourg, T.; Gonzalez, R.; Morales, P (2016) Environmental factors influencing the efficacy of different yeast strains for alcohol level reduction in wine by respiration. LWT - Food Science and Technology (2016) 65: 1038-1043. doi: 10.1016/j.lwt.2015.09.046.	Factor de impacto en JCR (2016): 2.329 Posición en el área: 32/130 (Q1) Área: Food Science & Technology
10.2	Ciani, M., Morales, P., Comitini, F., Tronchoni, J., Canonico, L., Curiel, J.A., Oro, L., Rodrigues, A.J., Gonzalez, R. (2016). Non-conventional yeast species for lowering ethanol content of wines. Review. Frontiers in Microbiology, May 2016, vol 7, art 642. doi: 10.3389/fmicb.2016.00642	Factor de impacto en JCR (2016): 4.076 Posición en el área: 26/125 (Q1) Área: Microbiology
10.3	Curiel, J.A.; Salvadó, Z.; Tronchoni, J.; Morales, P.; Rodrigues, A.J.; Quirós, M.; Gonzalez, R. (2016). Identification of target genes to control acetate yield during aerobic fermentation with <i>Saccharomyces cerevisiae</i> . Microbial Cell Factories (2016) 15: 156. doi: 10.1186/s12934-016-0555-y	Factor de impacto en JCR (2016): 3.681 Posición en el área: 38/160 (Q1) Área: Biotechnology & Applied Microbiology
10.4	Tronchoni, J.; Rodrigues, A.J.; Curiel, J.A.; Morales, P.; Gonzalez, R. (2017). Hypoxia and iron requirements are the main drivers in transcriptional adaptation of <i>Kluyveromyces lactis</i> during wine aerobic fermentation. International Journal of Food Microbiology (2017) 246: 40-49. doi: 10.1016/j.ijfoodmicro.2017.01.014	Factor de impacto en JCR (2017): 3.451 Posición en el área: 17/133 (Q1) Área: Food Science & Technology



9	Título de la tesis	Prevalencia del síndrome de fragilidad y pre-fragilidad en pacientes con infección por VIH en La Rioja. Importancia de la calidad de vida.
	Doctorando/a	Antón Vicente, Lucía
	Director/a/es/as	Oteo Revuelta, José Antonio (CIBIR) y Blanco Ramos, José Ramón (CIBIR)
	Fecha defensa	01/10/2019
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva
9.1	Blanco JR, Barrio I, Ramalle-Gómara E, Beltran MI, Ibarra V, Metola L, Sanz M, Oteo JA, Melús E, Antón L. Gender differences for frailty in HIV-infected patients on stable antiretroviral therapy and with an undetectable viral load. PLoS One 2019; 14(5): e0215764. doi 10.1371/journal.pone.0215764	Factor de impacto en JCR (2019): 2,74 Posición en el área: 27/71 (Q2) Área: Multidisciplinary Sciences

8	Título de la tesis	Implicación de IGF1R en inflamación pulmonar aguda y en alergia inducida por ácaros del polvo doméstico en ratones. Implication of IGF1R in murine acute lung inflammation and house dust mite-induced allergy.
	Doctorando/a	Piñeiro Hermida, Sergio
	Director/a/es/as	García Pichel, José Manuel (CIBIR)
	Fecha defensa	09/02/2018
	Otros datos	Mención de Doctorado Internacional Premio extraordinario de Doctorado
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva
8.1	López IP, Rodríguez-de la Rosa L, Pais RS, Piñeiro-Hermida S, Torrens R, Contreras J, Varela-Nieto I, Pichel JG. Differential organ phenotypes after postnatal Igf1r gene conditional deletion induced by tamoxifen in UBC-CreERT2; Igf1rf1/fl double transgenic mice. <i>Transgenic Res</i> 2015; 24(2):279-294. doi: 10.1007/S11248-014-9837-5.	Factor de impacto en JCR (2015): 2.054 Posición en el área: 201/289 (Q3) Área: Biochemistry & Molecular Biology
8.2	Piñeiro-Hermida S, López IP, Alfaro-Arnado E, Torrens R, Iñiguez M, Alvarez-Erviti L, Ruíz-Martínez C, Pichel JG. IGF1R deficiency attenuates acute inflammatory response in a bleomycin-induced lung injury mouse model. <i>Sci Rep.</i> 2017;7(1):4290. doi: 10.1038/s41598-017-04561-4.	Factor de impacto en JCR (2017): 4.122 Posición en el área: 12/64 (Q1) Área: Multidisciplinary Sciences
8.3	Piñeiro-Hermida S, Gregory JA, López IP, Torrens R, Ruíz-Martínez C, Adner M, Pichel JG. Attenuated airway hyperresponsiveness and mucus secretion in HDM-exposed IGF1R-deficient mice. <i>Allergy</i> 2017; 72(9):1317-1326. doi: 10.1111/all.13142.	Factor de impacto en JCR (2016): 7,361 Posición en el área: 2/26 (D1) Área: Allergy
8.4	Piñeiro-Hermida S, Alfaro-Arnado E, Gregory JA, Torrens R, Ruíz-Martínez C, Adner M, López IP, Pichel JG. Characterization of the acute inflammatory profile and resolution of airway inflammation after Igf1r-gene targeting in a murine model of HDM-induced asthma. <i>PLoS One.</i> 2017;12(12):e0190159. doi: 10.1371/journal.pone.0190159.	Factor de impacto en JCR (2017): 2.766 Posición en el área: 15/64 (Q1) Área: Multidisciplinary Sciences



7	Título de la tesis	Effects of different antiretroviral treatments on gut microbiota of HIV-infected patients. Efectos de los diferentes tratamientos antirretrovirales sobre la microbiota intestinal de pacientes infectados por el VIH.
	Doctorando/a	Villanueva Millán, María Jesús
	Director/a/es/as	Oteo Revuelta, José Antonio (CIBIR) y Pérez Matute, Carmen Patricia (CIBIR)
	Fecha defensa	10/07/2018
	Otros datos	Mención de Doctorado Internacional
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva
7.1	Villanueva-Millán MJ, Pérez-Matute P, Oteo JA. Gut microbiota: a key player in health and disease. A review focused on obesity. J Physiol Biochem. 2015;71(3):509-25. doi: 10.1007/s13105-015-0390-3.	Factor de impacto en JCR (2015): 2.05 Posición en el área: 45/83 (Q3) Área: Physiology
7.2	Villanueva-Millán MJ, Pérez-Matute P, Recio-Fernández E, Lezana Rosales JM, Oteo JA. Differential effects of antiretrovirals on microbial translocation and gut microbiota composition of HIV-infected patients. J Int AIDS Soc. 2017; 20(1):21526. doi: 10.7448/IAS.20.1.21526.	Factor de impacto en JCR (2017): 5.13 Posición en el área: 10/88 (Q1) Área: Infectious Diseases
7.3	Villanueva-Millán MJ, Pérez-Matute P, Recio-Fernández E, Lezana Rosales JM, Oteo JA. Characterization of gut microbiota composition in HIV-infected patients with metabolic syndrome. J Physiol Biochem. 2019 ;75(3):299-309. doi: 10.1007/s13105-019-00673-9.	Factor de impacto en JCR (2019): 2.95 Posición en el área: 29/81 (Q1) Área: Physiology



6	Título de la tesis	Eventos adversos como motivo de ingreso en la Unidad de Medicina Intensiva. Plan de calidad en la Unidad de Medicina Intensiva del Hospital San Pedro de Logroño.
	Doctorando/a	Pavía Pesquera, María de la Concepción
	Director/a/es/as	Blanco Ramos, José Ramón (CIBIR)
	Fecha defensa	26/09/2018
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva
6.1	Merino P, Martín MC, Alonso A, Gutiérrez I, Alvarez J, Becerril F; coordinadores del estudio SYREC. Errores de medicación en los servicios de Medicina Intensiva españoles Med Intensiva. 2013; 37(6):391-9. doi: 10.1016/j.medin.2012.11.002.	Factor de impacto en JCR (2013): 1.240 Posición en el área: 24/27 (Q4) Área: Critical Care Medicine
6.2	Escudero-Acha P, Palomo Navarro M, Leizaola Irigoyen O, Vidal Tegedor B, González Romero D, Misis Del Campo M, Recena Pérez P, Pavía Pesquera MC, Freita Ramos S, Miró Andreu G, de Pablo Hermida AM, Barceló Castelló M, Blasco Cortes ML, Ballesteros Ortega D, Lázaro Martín N, Díaz Díaz D, Pérez Ruiz M, Poyo-Guerrero R, Cordero Vallejo M, Acune O, Duerto Alvarez J, Garcia Torrejon MC, Gómez Gómez EM, Claverías Cabrerías L, Gomez Acebo I, Gonzalez-Castro A; Grupo de Trabajo de Bioética de la SEMICYUC. Preliminary results of the ADENI-ICU trial: Analysis of decisions of refuse admission in intensive care units as a limitation of life support treatments; multicenter, prospective, observational study. Med Intensiva. 2019; 43(5):317-319. English, Spanish. doi: 10.1016/j.medin.2018.10.001.	Factor de impacto en JCR (2019): 2.363 Posición en el área: 23/36 (Q3) Área: Critical Care Medicine

5	Título de la tesis	Resistencia a antimicrobianos y virulencia en cepas no-clínicas de <i>Pseudomonas aeruginosa</i> . Antimicrobial resistance and virulence in non-clinical <i>Pseudomonas aeruginosa</i> strains.
	Doctorando/a	Ruiz Roldán, Lidia
	Director/a/es/as	Sáenz Domínguez, María Yolanda (CIBIR) y Torres Manrique, Carmen (UR)
	Fecha defensa	26/10/2018
	Otros datos	Mención de Doctorado Internacional
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva
5.1	Ruiz-Roldán L, Rojo-Bezares B, de Toro M, López M, Toledano P, Lozano C, Chichón G, Alvarez-Erviti L, Torres C, Sáenz Y. Antimicrobial resistance and virulence of <i>Pseudomonas spp.</i> among healthy animals: concern about exolysin ExlA detection. Sci Rep. 2020; 10(1):11667. doi: 10.1038/s41598-020-68575-1.	Factor de impacto en JCR (2019): 3.998 Posición en el área: 17/71 (Q1) Área: Multidisciplinary Sciences
5.2	Ruiz-Roldán L, Bellés A, Bueno J, Azcona-Gutiérrez JM, Rojo-Bezares B, Torres C, Castillo FJ, Sáenz Y, Seral C. <i>Pseudomonas aeruginosa</i> Isolates from Spanish Children: Occurrence in Faecal Samples, Antimicrobial Resistance, Virulence, and Molecular Typing. Biomed Res Int. 2018; 2018:8060178. doi: 10.1155/2018/8060178.	Factor de impacto en JCR (2018): 2.197 Posición en el área: 94/162 (Q3) Área: Biotechnology & Applied Microbiology
5.3	Ruiz-Roldan, L., de Toro M, Saenz Y. Whole Genome Analysis of Environmental <i>Pseudomonas mendocina</i> Strains: Virulence Mechanisms and Phylogeny, Genes, 2021 12(1):E115. doi: 10.3390/genes12010115.	Factor de impacto en JCR (2019): 3.759 Posición en el área: 54/178 (Q2) Área: Genetics and Heredity

4	Título de la tesis	Evaluación del impacto de la bendopnea en la insuficiencia cardiaca descompensada.
	Doctorando/a	Baeza Trinidad, Ramón
	Director/a/es/as	Mosquera Lozano, José Daniel (Hospital San Pedro) y Brea Hernando, Ángel (Hospital San Pedro)
	Fecha defensa	30/10/2018
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva
4.1	Baeza-Trinidad R, Isaula-Jimenez O, Peinado-Adiego C, Mosquera-Lozano JD. Prevalence of bendopnea in general population without heart failure. Eur J Intern Med. 2018; 50:e21-e22. doi: 10.1016/j.ejim.2017.11.007.	Factor de impacto en JCR (2018): 3.660 Posición en el área: 27/160 (Q1) Área: Medicine, General & Internal
4.2	Baeza-Trinidad R, Mosquera-Lozano JD, Gómez-Del Mazo M, Ariño-Pérez de Zabalza I. Evolution of bendopnea during admission in patients with decompensated heart failure. Eur J Intern Med. 2018; 51:e23-e24. doi: 10.1016/j.ejim.2018.02.026.	Factor de impacto en JCR (2018): 3.660 Posición en el área: 27/160 (Q1) Área: Medicine, General & Internal
4.3	Baeza-Trinidad R, Mosquera-Lozano JD, Brea-Hernando A. Development of heart failure in asymptomatic patients with Bendopnea. Eur J Intern Med. 2020; 74:113-114. doi: 10.1016/j.ejim.2020.01.004.	Factor de impacto en JCR (2019): 4.329 Posición en el área: 26/165 (Q1) Área: Medicine, General & Internal
4.4	Baeza-Trinidad R, Mosquera-Lozano JD, El Bikri L. Assessment of bendopnea impact on decompensated heart failure. Eur J Heart Fail. 2017; 19(1):111-115. doi: 10.1002/ejhf.610.	Factor de impacto en JCR (2017): 10.683 Posición en el área: 6/128 (D1) Área: Cardiac & Cardiovascular Systems
4.5	Baeza-Trinidad R, Mosquera-Lozano JD. Bendopnea: The next prognostic marker of advanced heart failure? Am Heart J. 2017; 186:e1. doi: 10.1016/j.ahj.2017.01.002.	Factor de impacto en JCR (2017): 4.171 Posición en el área: 39/128 (Q2) Área: Cardiac & Cardiovascular Systems

3	Título de la tesis	A link between <i>C. elegans</i> morphogenesis and mRNA export.	
	Doctorando/a	Angelina Iliyanova, Zheleva	
	Director/a/es/as	Cabello Pardos, Juan (CIBIR) y Gómez Orte, Eva María (CIBIR)	
	Fecha defensa	09/03/2018	
	Otros datos	Mención de Doctorado Internacional	
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva	
3.1	Zheleva A, Gómez-Orte E, Sáenz-Narciso B, Ezcurra B, Kassahun H, de Toro M, Miranda-Vizuete A, Schnabel R, Nilsen H, Cabello J. Reduction of mRNA export unmasks different tissue sensitivities to low mRNA levels during <i>Caenorhabditis elegans</i> development. <i>PLoS Genetics</i> , 2019; 15(9):e1008338. doi: 10.1371/journal.pgen.1008338.	Factor de impacto en JCR (2019): 5.174 Posición en el área: 26/177 (Q1) Área: Genetics & Heredity	
3.2	Gómez-Orte E, Sáenz-Narciso B, Zheleva A, Ezcurra B, de Toro M, López R, Gastaca I, Nilsen H, Sacristán MP, Schnabel R, Cabello J. Disruption of the <i>Caenorhabditis elegans</i> Integrator complex triggers a non-conventional transcriptional mechanism beyond snRNA genes. <i>PLoS Genetics</i> , 2019; 15(2):e1007981. doi: 10.1371/journal.pgen.1007981.	Factor de impacto en JCR (2019): 5.174 Posición en el área: 26/177 (Q1) Área: Genetics & Heredity	
3.3	Gómez-Orte E, Cornes E, Zheleva A, Sáenz-Narciso B, de Toro M, Iñiguez M, López R, San-Juan JF, Ezcurra B, Sacristán B, Sánchez-Blanco A, Cerón J, Cabello J. Effect of the diet type and temperature on the <i>C. elegans</i> transcriptome. <i>Oncotarget</i> . 2017; 9(11):9556-9571. doi: 10.18632/oncotarget.23563.	Factor de impacto en JCR (2016): 5.168 Posición en el área: 44/217 (Q1) Área: Oncology	
3.4	Sáenz-Narciso B, Gómez-Orte E, Zheleva A, Gastaca I, Cabello J. Control of developmental networks by Rac/Rho small GTPases: How cytoskeletal changes during embryogenesis are orchestrated. <i>Bioessays</i> , 2016; 38(12):1246-1254. doi: 10.1002/bies.201600165.	Factor de impacto en JCR (2016): 4.441 Posición en el área: 63/290 (Q1) Área: Biochemistry & Molecular Biology	
3.5	Sáenz-Narciso, B., Gómez-Orte, E., Zheleva, A., Torres-Pérez, R., Cabello, J. The embryonic cell lineage of <i>Caenorhabditis elegans</i> : A modern hieroglyph. <i>Bioessays</i> 2015; 37(3): 237-239. doi: 10.1002/bies.201400202.	Factor de impacto en JCR (2015): 4.725 Posición en el área: 57/289 (Q1) Área: Biochemistry & Molecular Biology	



2	Título de la tesis	Caracterización del Complejo Integrador en <i>Caenorhabditis elegans</i> . Análisis fenotípico y funcional.
	Doctorando/a	Gastaca Abásolo, Irene
	Director/a/es/as	Cabello Pardos, Juan (CIBIR) y Gómez Orte, Eva María (CIBIR)
	Fecha defensa	18/11/2016
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva
2.1	Gómez-Orte E, Sáenz-Narciso B, Zheleva A, Ezcurra B, de Toro M, López R, Gastaca I, Nilsen H, Sacristán MP, Schnabel R, Cabello J. Disruption of the <i>Caenorhabditis elegans</i> Integrator complex triggers a non-conventional transcriptional mechanism beyond snRNA genes. PLoS Genetics, 2019; 15(2):e1007981. doi: 10.1371/journal.pgen.1007981.	Factor de impacto en JCR (2019): 5.174 Posición en el área: 26/177 (Q1) Área: Genetics & Heredity
2.2	Sáenz-Narciso B, Gómez-Orte E, Zheleva A, Gastaca I, Cabello J. Control of developmental networks by Rac/Rho small GTPases: How cytoskeletal changes during embryogenesis are orchestrated. Bioessays, 2016; 38(12):1246-1254. doi: 10.1002/bies.201600165.	Factor de impacto en JCR (2016): 4.441 Posición en el área: 63/290 (Q1) Área: Biochemistry & Molecular Biology

1	Título de la tesis	Líneas genéticas, virulencia y resistencia a antibióticos en <i>Staphylococcus aureus</i> de diferentes orígenes. Análisis de marcadores de adaptación al huésped y comportamiento en <i>Caenorhabditis elegans</i> .
	Doctorando/a	Benito Pascual, Daniel
	Director/a/es/as	Torres Manrique, Carmen (UR)
	Fecha defensa	17/12/2015
Nº	Referencia de la contribución científica	Repercusión objetiva
1.1	Benito D, Aspiroz C, Gilaberte Y, Sanmartín R, Hernández-Martin Á, Alonso M, Gómez P, Lozano C, Torres C. Genetic lineages and antimicrobial resistance genotypes in <i>Staphylococcus aureus</i> from children with atopic dermatitis: detection of clonal complexes CC1, CC97 and CC398. J Chemother. 2016; 28(5):359-66. doi: 10.1179/1973947815Y.0000000044.	Factor de impacto en JCR (2016): 1.577 Posición en el área: 196/257 (Q4) Área: Pharmacology & Pharmacy
1.2	Benito D, Lozano C, Jiménez E, Albújar M, Gómez A, Rodríguez JM, Torres C. Characterization of <i>Staphylococcus aureus</i> strains isolated from faeces of healthy neonates and potential mother-to-infant microbial transmission through breastfeeding. FEMS Microbiol Ecol. 2015; 91(3):fiv007. doi: 10.1093/femsec/fiv007.	Factor de impacto en JCR (2015): 3.530 Posición en el área: 37/123 (Q2) Área: Microbiology
1.3	Benito D, Gómez P, Aspiroz C, Zarazaga M, Lozano C, Torres C. Molecular characterization of <i>Staphylococcus aureus</i> isolated from humans related to a livestock farm in Spain, with detection of MRSA-CC130 carrying <i>mecC</i> gene: A zoonotic case? Enferm Infecc Microbiol Clin. 2016; 34(5):280-5. doi: 10.1016/j.eimc.2015.03.008.	Factor de impacto en JCR (2016): 1.714 Posición en el área: 89/125 (Q3) Área: Microbiology
1.4	Benito D, Gómez P, Lozano C, Estepa V, Gómez-Sanz E, Zarazaga M, Torres C. Genetic lineages, antimicrobial resistance, and virulence in <i>Staphylococcus aureus</i> of meat samples in Spain: analysis of immune evasion cluster (IEC) genes. Foodborne Pathog Dis. 2014; 11(5):354-6. doi: 10.1089/fpd.2013.1689.	Factor de impacto en JCR (2014): 1.905 Posición en el área:38/123 (Q2) Área: Food Science & Technology
1.5	Benito D, Lozano C, Gómez-Sanz E, Zarazaga M, Torres C. Detection of methicillin-susceptible <i>Staphylococcus aureus</i> ST398 and ST133 strains in gut microbiota of healthy humans in Spain. Microb Ecol. 2013; 66(1):105-11. doi: 10.1007/s00248-013-0240-1.	Factor de impacto en JCR (2013): 3.118 Posición en el área: 40/141 (Q2) Área: Ecology
1.6	Benito D, Lozano C, Rezusta A, Ferrer I, Vasquez MA, Ceballos S, Zarazaga M, Revillo MJ, Torres C. Characterization of tetracycline and methicillin resistant <i>Staphylococcus aureus</i> strains in a Spanish hospital: is livestock-contact a risk factor in infections caused by MRSA CC398? Int J Med Microbiol. 2014; 304(8):1226-32. doi: 10.1016/j.ijmm.2014.09.004.	Factor de impacto en JCR (2014): 3.614 Posición en el área: 30/119 (Q2) Área: Microbiology